02;12 Определение атомарного состава изобарных ионов при масс-спектрометрическом исследовании моногидрата L-аспарагина

© В.С. Вукстич, Л.Г. Романова, А.В. Снегурский

Институт электронной физики НАНУ, Ужгород, Украина E-mail: alexander.snegursky@iep.org.ua

Поступило в Редакцию 14 ноября 2011 г.

В диапазоне массовых чисел от 10 до 50 amu впервые исследован массспектр молекулы моногидрата L-аспарагина (C₄H₈N₂O₃ · H₂O) электронным ударом при энергии 70 eV. Предложена методика, с помощью которой определен наиболее вероятный атомарный состав продуктов фрагментации молекулы. Наибольшая погрешность определеления массы фрагмента не превышала 0.04%. Анализатором масс служил магнитный масс-спектрометр МИ-1201, модернизированный на базе IBM PC и цифровой системы управления и развертки.

Важность исследования механизмов структурных изменений в биомолекулах, обусловленных взаимодействием с электронами, не вызывает сомнения [1], поскольку биомолекулы чрезвычайно чувствительны к ионизирующему излучению и это имеет фундаментальное значение для решения проблем мутагенеза и радиационной защиты. Аминокислоты являются простейшими биологически значимыми органическими молекулами и служат удобной модельной системой при изучении радиационных повреждений. L-аспарагин (L-Asn) — одна из 20 природных аминокислот — стабилен как в безводном, так и в гидратированном состоянии при стандартных условиях. В последнее время кристаллический L-аспарагина моногидрат (LAM) и его комплексы активно изучаются с целью применения их в качестве новых нелинейных оптических материалов [2-5], в связи с чем возникает проблема изучения термической и радиационной стабильности этого материала в процессе эксплуатации. Имеющиеся данные по диссоциативной ионизации молекул аминокислот немногочисленны и в значительной степени противоречивы. Основной причиной этого является тот факт,

97

что биомолекулы при экспериментальном исследовании претерпевают фрагментацию как вследствие взаимодействия с налетающим электроном в процессе диссоциативной ионизации, так и в результате термической деструкции вещества при нагревании, необходимом для его перевода в газообразную фазу.

В данной работе приводятся первые результаты экспериментального исследования масс-спектра молекулы LAM при ее бомбардировке электронами, а также сделана попытка точного определения атомарного состава ионных фрагментов спектра в диапазоне масс от 12 до 46 amu.

В качестве аналитического метода нами была применена техника масс-спектрометрии, позволяющая отождествлять продукты взаимодействия и изучать динамику их образования. Исследования выполнены при помощи магнитного масс-спектрометра МИ-1201, ранее подвергшегося существенной модернизации на базе ЭВМ с помощью системы цифрового управления и развертки масс-спектров [6]. Модернизированный масс-спектрометр МИ-1201 обладает стабильной во времени (дрейф нуля ~ 1 mV/h) и высокочувствительной (10^{-16} A) регистрацией ионного тока. Импульсная цифровая развертка обеспечивет сканирование спектра масс с минимальным шагом $\Delta m \sim 0.0001$ ати.

Масс-спектры, полученные при постоянной энергии электронов 70 eV, записывались как в аналоговом канале регистрации ионного тока (растровые спектры), так и по точкам в цифровом канале с шагом развертки 0.004 amu при постоянной интегрирования входного сигнала 0.1 s. На рисунке представлен нормализованный масс-спектр молекулы LAM, записанный в диапазоне масс (10-90) amu при температуре источника ионов 160°C. Выход ионов на графике представлен в полулогарифмическом масштабе, так как интенсивности пиков в спектре масс различаются в пределах двух порядков. Видно, что масс-спектр состоит из групп пиков, расположенных в пределах не более 8 amu шкалы масс. В данной работе определялись точные массы пиков в группах (12-18), (25-32) и (39-46) amu.

В базе данных NIST [7] не представлен масс-спектр молекулы LAM. Для безводного L-Asn [7] пики ощутимой интенсивности расположены в диапазоне масс от 12 до 90 ати. Сравнение масс-спектров безводного L-Asn и его моногидрата показывает существенные различия в каналах диссоциативной ионизации этих молекул. Так, пик максимальной интенсивности (100%) в масс-спектре L-Asn соответствует отношению массы к заряду m/z = 87. В спектре LAM его относительная интен-



Нормализованный участок масс-спектра моногидрата L-аспарагина при энергии электронов 70 eV и температуре 160°С. На вставке — структурная формула молекулы $C_4H_8N_2O_3 \cdot H_2O~(m = 150 \text{ amu}).$

сивность составляет всего 0.09%. Кроме того, значительные различия наблюдаются и в диапазоне 50–70 amu.

Основной причиной отличий выхода фрагментов с одинаковыми целочисленными массами у молекул моногидрата и L-Asn, безусловно, является наличие в LAM структурно связанной молекулы воды. Практическое отсутствие в спектре LAM пика при m/z = 87 ати дает основания предполагать, что молекула воды блокирует отрыв карбоксильной группы, образуя водородные связи с атомом кислорода карбоксильной группы и атомами водорода аминогруппы. Другой существенной причиной, влияющей на интенсивность наблюдаемых пиков, может быть различие в температурных условиях, при которых записывались спектры.

Видно, что масс-спектр LAM характеризуется слабой селективностью. Наличие шести гетероатомов в исходной молекуле и множество возможных каналов фрагменатции создают большие трудности при идентификации элементного состава фрагментов. Для гетероатомных органических молекул многим целочисленным пикам в спектре соот-

ветствуют различные составы атомов (изобарные ионы). Кроме того, некоторый вклад в интенсивность наблюдаемых пиков могут вносить и природные изотопы атомов, поэтому для определения элементарной формулы наблюдаемых пиков необходимы измерения массы ионных фргаментов с высокой точностью. Знание точного элементного состава фрагментных ионов необходимо для определения каналов и механизмов диссоциативной ионизации исследуемой молекулы. Одной из трудностей в достижении этой цели была недостаточная разрешающая способность масс-спектрометра МИ-1201, которая не позволила разделить пики изобарных ионов. Поэтому для идентификации наблюдаемых фрагментов необходимо было обеспечить хотя бы максимально возможную точность калибровки школы масс и определения центра пиков.

Предварительная калибровка шкалы спектрометра в диапазоне масс 10–50 ати выполнялась по целочисленным значениям масс ионов H₂O⁺ (m/z = 18), N₂⁺ (m/z = 28), O₂⁺ (m/z = 32) и Ar⁺ (m/z = 40). Далее, уже в более узких диапазонах масс, шкалы корректировались по точным значениям масс ионов-реперов. Например, для участка 11–19 ати это были ионы C⁺ (m/z = 12.000) и H₂O⁺ (m/z = 18.010560). Стабильность шкалы масс во времени после калибровки этого участка проверялась записью серии из 10 масс-спектров с интервалом в 20 min. Оказалось, что отклонение положения максимума пиков от среднего значения у всех семи фрагментов данного участка не превышало $\pm 0.04\%$.

Необходимо отметить, что калибровка шкалы масс и развертка спектров анализатора выполняются только в цифровом формате. При этом чем меньше массы наблюдаемых фрагментов, тем более точно может быть определена дробная часть массы. При регистрации спектров в цифровом канале, кроме растра на мониторе, можно сохранить и таблицу данных о спектрах на диске в форматах: по шкале X — F8E4, по шкале Y — F7E4, а время записи каждой точки — в формате hh:mm:ss. Таким образом, система цифрового управления и развертки позволяет определять положение и амплитуду пиков с точностью ±1 amu в четвертом знаке после запятой.

В случае регистрации выхода ионов в аналоговом канале прикладная программа сохраняет в памяти всю информацию о спектре только до тех пор, показ спектр сохраняется на мониторе. Спектр в растровом графическом виде может быть сохранен и на диске, но при записи нового аналогового спектра информация о предыдущем в памяти ЭВМ

101

Массовое	Формула	Точная масса	Экспериментальная	Разность масс
чиспо пика	фрагмента	фрагмента апц	масса ати	
число пика	фрагмента	φparmenna, anna	Macca, anta	70
12	C^+	12.0	12.0	0.0
13	CH^+	13.0078225	13.0066	+0.009
14	\mathbf{N}^+	14.003074	14.0029	+0.002
15	$\rm NH^+$	15.010897	15.0111	-0.001
16	H_2N^+	16.0187194	16.0161	+0.016
17	H_3N^+	17.0265420	17.0287	-0.013
18	H_2O^+	18.010560	18.010560	0.0
25	C_2H^+	25.007822	25.007822	0.0
26	$C_2H_2^+$	26.015645	26.0143	+0.005
27	$C_2H_3^{+}$	27.023467	27.0208	+0.0096
28	$\mathrm{CH}_2\mathrm{N}^+$	28.018719	28.0146	+0.015
29	CH_3N^+	29.026542	29.0196	+0.024
30	$\mathrm{CH}_4\mathrm{N}^+$	30.034364	30.0243	+0.034
32	O_2^+	31.98983	31.98983	0.0
39	$\tilde{C_2HN^+}$	39.010897	39.010897	0.0
40	$C_2H_2N^+$	40.018719	40.0158	+0.008
41	$C_2H_3N^+$	41.026542	41.0258	+0.002
42	$C_2H_4N^+$	42.034364	42.0386	-0.010
43	$C_2H_5N^+$	43.042187	43.0351	+0.023
44	$\rm CH_2ON^+$	44.013634	44.0209	-0.017
45	$\rm CH_3ON^+$	45.021457	45.0261	-0.010
46	$\mathrm{CH}_2\mathrm{O}_2^+$	46.005475	46.005475	0.0

Идентификация атомарного состава ионных фрагментов масс-спектра моногидрата L-аспарагина. Нулевые значения разности масс указаны для фрагментовреперов, по которым калибровались шкалы масс

теряется. Поэтому следует помнить, что растровые спектры на мониторе следует обрабатывать непосредственно в измерительной программе сразу после их записи. Отдельно, в каком-либо ином графическом редакторе, считывается информация только о растре спектра, и при этом на порядок теряется точность определения пика на мониторе.

В данных экспериментах записывались и обрабатывались аналоговые и цифровые масс-спектры молекулы LAM на участках 11–19, 24.5–32.5 и 38.5–46.5 ати. Каждый раз перед новой записью спектра точная калибровка шкалы масс повторялась. В качестве реперов в нашем случае использовались три пары пиков — 12 и 18, 25 и 32

и 39 и 46 ати. Для аналоговых спектров путем установки маркера на мониторе в вершине пика инициировалась величина максимума ионного сигнала и положение пика с точностью ± 1 ати в третьем знаке после запятой. В цифровых же спектрах масса пика и его интенсивность вычислялись путем центровки на уровне половины его высоты (точность ± 1 ати в четвертом знаке после запятой). Поскольку результаты измерения массы конкретного пика могут зависеть и от относительного вклада изобарных ионов в суммарный сигнал и форму пика, то в результате этого его контур может быть асимметричным. Поэтому всегда существует некоторое различие в результатах обработки аналоговых и цифровых спектров, а именно положение максимума пика может несколько отличаться от положения его центра из-за асимметрии контура.

Кроме цифровой системы управления и развертки, идентифицировать фрагменты в масс-спектре молекулы LAM помогло и то обстоятельство, что пики с массами от 10 до 50 amu сосредоточены в трех группах и каждая из них лежит в предлах 8 единиц массы. Это обеспечило достаточно точную в этом случае калибровку шкалы мас и определение центра пиков. Наиболее вероятная формула для каждого конкретного ионного фрагмента спектра выбиралась по наименьшей разности масс, полученных экспериментально, и известных масс изобарных ионов. Экспериментальные значения масс ионных фрагментов получены путем анализа результатов обработки серии как цифровых, так и растровых спектров.

В таблицу сведены результаты определения элементного состава 22 ионных фрагментов LAM в диапазоне масс 12-46 ати, где указаны наиболее вроятные изобарные ионы, их точные массы и экспериментально измеренные значения масс фрагментов. Видно, что экспериментальные значения отличаются от расчетных масс изобарных ионов на 0.034% только для одного фрагмента (m/z = 30 ати). И только для двух фрагментов (m/z = 29 и 43 ати) раличие превышает величину 0.02%. Можно предположить, что указанные пики аддитивны и имеет место наложение контуров двух или более изобарных пиков.

В данной работе не изучались зависимости выхода ионных фрагментов молекулы LAM от энергии электронов, включая пороги появления, поэтому выяснение роли миграции атомов водорода и каскадной фрагментации, а также участие структурно связанной молекулы воды в ударной и термической фрагментации станут предметом дальнейших исследований.

Список литературы

- Вукстич В.С., Имре А.И., Снегурский А.В. // Письма в ЖТФ. 2009. Т. 35. В. 23. С. 1–7.
- [2] Kripal Ram, Mishra Indrajeet, Gupta S.K., Arora Manju // Specrochimica Acta Part A: Molecular and Biomolecular Spectroscopy. 2009. V. 71. Is. 5. P. 1969– 1972.
- [3] Fleck Michel, Petrosyan Aram M. // Crystal Growth. 2010. V. 312. Is. 15. P. 2284–2290.
- [4] Shakir, Ganesh V., Wahab M.A., Bhagavannarayana G., Kishan Rao K. // Materials Science and Engineering. B. 2010. V. 172. Is. 1. P. 9–14.
- [5] Shakir, Riscob B., Maurya K.K., Ganesh V., Wanab M.A., Bhagavannarayana G. // J. Crystal Growth. 2010. V. 312. Is. 21. P. 3171–3177.
- [6] Вукстич В.С., Имре А.И., Снегурский А.В. // Приборы и техника эксперимента. 2011. № 2. С. 1–7.
- [7] National Institute of Standards and Technology. Standard Reference. Databases, NIST Chemistry Webbook. http://webbook.nist.gov/chemistry.